

LABOKLIN GmbH&CoKG . Postfach 1810 . DE-97668 Bad Kissingen

Madame  
Laura Lecluze  
Métairie de Bordeneuve  
47550 Boé  
Frankreich

## Résultat d'analyses

Nr.: 1901-W-70476

Réception le: 29-01-2019

Date du résultat: 31-01-2019

ANIMAL:	Chien	Femelle	* 25.01.17
	Chien de Rhodesie a crete dorsale		
Propriétaire de l'animal:	Lecluze, Laura		
Nature du prélèvement:	sang EDTA		
Date de prélèvement:			

Name: **Naska du clos bhakti**  
ZB-Nummer: **Lof 6 rho.rid 5285**  
Chip-Nummer: **250268731884472**  
Tattoo-Nummer: **---**

## Myélopathie dégénérative - PCR

Résultats d'analyse : Génotype N/N (Exon 2)

Interprétation : L'animal est homozygote pour l'allèle type naturel.  
Il ne possède pas la mutation pour MD d'exon 2 du gène SOD1.

Transmission : autosomique récessive

Remarque : chez le Bouvier bernois, une seconde mutation,  
qui se trouve aussi sur le gène SOD-1 (exon 1), est également  
impliquée dans l'apparition de la myélopathie dégénérative (MD).

## Hémophilie B (Facteur IX) - PCR

Résultat: femelle :génotype X(N)/X(N) male : génotype X(N)/Y

Interprétation: l' animal examiné est homozygote normal.  
Il n'est donc pas porteur de la mutation sur le gène FIX  
responsable de l' hémophilie B.

Mode de transmission : gonosomique récessif lié à l' X  
Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce

Identification du prélèvement: 1901-W-70176

jour décrite dans les races suivantes: Rhodesian Ridgeback

**Epilepsie myoclonique juvénile (JME) - PCR**

Résultat: génotype N/ JME (porteur sain)

Interprétation: l' animal examiné est porteur hétérozygote sur le gène DIRAS1 de la mutation responsable de l' épilepsie myoclonique juvénile (JME).

Mode de transmission: autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Rhodesian Ridgeback.

**D-Locus (Dilution) - PCR**

Résultat: Génotype: D/D

Interprétation: le statut génétique du chien examiné au regard du gène "Dilution" est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur de l'allèle récessif d responsable d'une dilution de la couleur de la robe et ne transmettra à sa descendance que l'allèle dominant D.

Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et soumis à analyse par le laboratoire.

Remarque :

Une autre mutation responsable de la dilution (d2) a été identifiée dans les races suivantes :

Chow Chow, Sloughi, Rhodesian Ridgeback.

Il n'est pas exclu que cette mutation soit responsable de dilution dans d'autres races.

**Locus B (marron, chocolat, foie) - PCR**

Le test génétique du locus B recherche l'allèle dominant B et les 4 allèles récessifs connus à ce jour : bd, bc, bs et b4, qui sont répartis sur 4 loci différents.

**Variant bd**

Résultat pour l'allèle bd :génotype B/B

Interprétation: l'animal examiné n'est pas porteur de l'allèle bd.

**Variant bc**

Résultat pour l'allèle bc: génotype B/B

Interprétation: l'animal examiné n'est pas porteur de l'allèle bc.

**Variant bs**

Résultat pour l'allèle bs : génotype B/bs

Interprétation : l'animal examiné est porteur d'une copie de l'allèle bs associé à l'allèle B (combinaison hétérozygote B/bs).

**Variant b4**

Résultat pour l'allèle b4: génotype B/B

Interprétation: l'animal examiné n'est pas porteur de l'allèle b4.

Hierarchie dans la série allélique : B est dominant sur les 4 allèles récessifs bd, bc, bs et b4.

Couleur de la robe :

La couleur de l'eumélanine, noire ou chocolat (marron), dépend de la répartition des allèles récessifs sur les 4 loci qui constituent le locus B (qui s'exprime dans tous les cas sauf si génotype e/e sur le gène E). Ainsi, si sur un locus se trouvent 2 copies d'un des 4 allèles récessifs (homozygotie : bd/bd par exemple), la robe sera chocolat (marron).

En cas de présence de plusieurs allèles récessifs associés à l'allèle B (combinaison hétérozygote : B/bd et B/bs par exemple), il est impossible de prévoir la présence des nuances dans les robes chocolat, à savoir la répartition des plages avec eumélanine noire et celles avec eumélanine chocolat.

Chez le Bouledogue français, le Yorkshire Terrier et d'autres petites races de chien, il existe probablement d'autres mutations non identifiées à ce jour responsable de la couleur brune.

Un test génétique recherchant ces autres mutations n'est à ce jour pas disponible.

**Prélèvement:**

Le prélèvement issu de cet animal a été réalisé et authentifié de manière officielle par le vétérinaire suivant:

**Dr. Marie-Laure Chapier**

Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et analysé par le

Identification du prélèvement: 1901-W-70176

**LABOKLIN**  
LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG

laboratoire. Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Le donneur d'ordre est responsable de l'authentification des données relatives à l'animal et au prélèvement. Le laboratoire est tenu à une obligation de moyens. Les dommages et intérêts sont limités au montant des prestations réalisées, et ce dans la limite légale autorisée. Le laboratoire est accrédité selon la norme DIN EN ISO/IEC 17025:2005 pour les prestations de ce rapport d'analyses.

(sauf les prestations des laboratoires partenaires)

\*\*\* Fin du résultat \*\*\*

Hr.Dr. Beitzinger  
Dipl.-Biol. Molekularbiologie